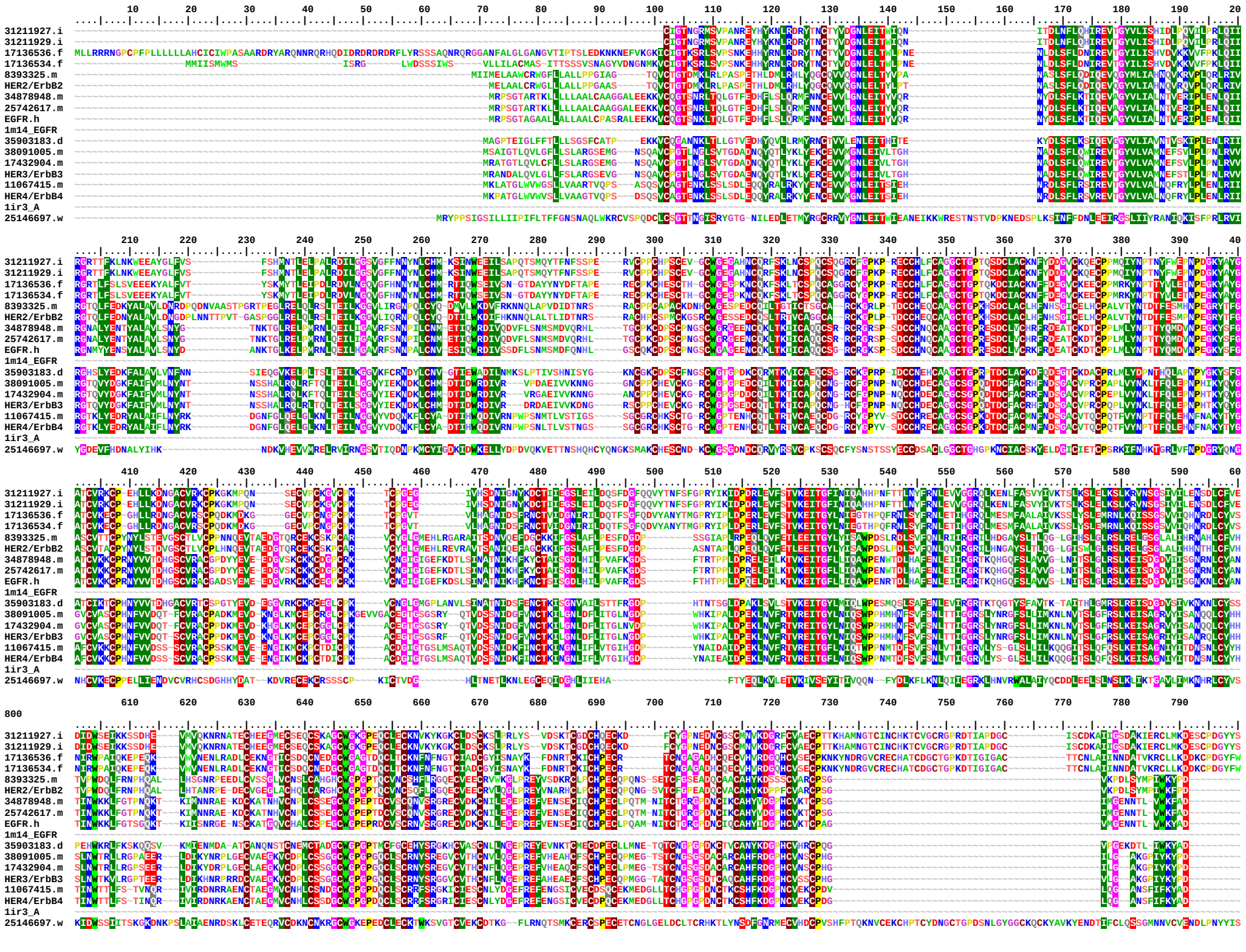
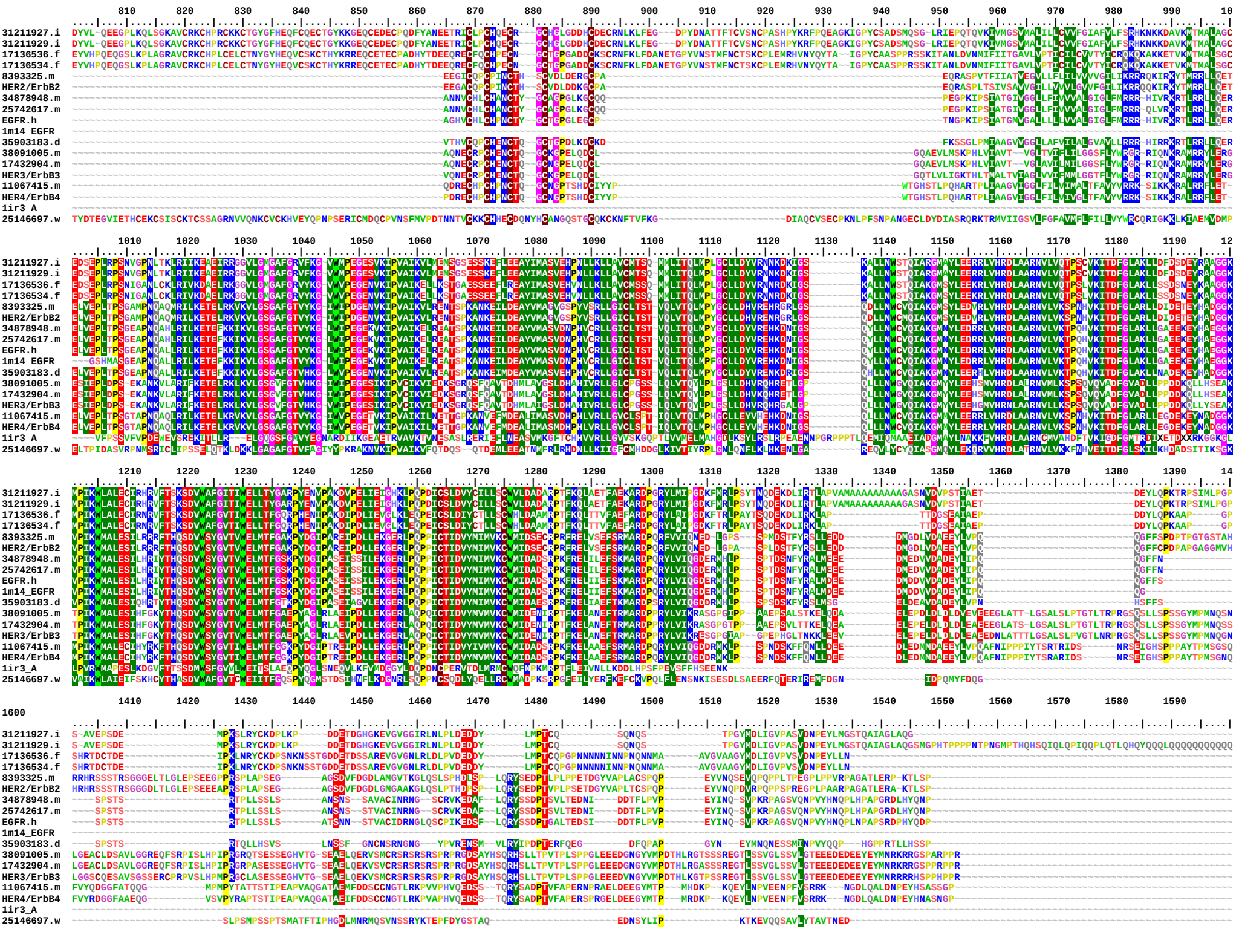

31211927.i
31211929.i
17136536.f
17136534.f
8393325.m
HER2/ErbB2
34878948.m
25742617.m
EGFR.h
1m14_EGFR
35903183.d
38091005.m
17432904.m
HER3/ErbB3
11067415.m
HER4/ErbB4
1ir3_A
25146697.w


31211927.i
31211929.i
17136536.f
17136534.f
8393325.m
HER2/ErbB2
34878948.m
25742617.m
EGFR.h
1m14_EGFR
35903183.d
38091005.m
17432904.m
HER3/ErbB3
11067415.m
HER4/ErbB4
1ir3_A
25146697.w

```
                     1610      1620      1630      1640      1650      1660      1670      1680      1690      1700      1710      1720      1730      1740      1750
            ....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|....|...
31211927.i  ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~HTPSLSSASGSIGPKSADQPGAAAGLHHQQPSSPPTQTIGIPLSPT~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~ETEATSSEHEYYNDLQRELIPLHRN~~~ETTV~~~~~~~~~~~~~~~
31211929.i  HQQHQLQHHHQPQLSQSSHHSSSSHGGPTPSIISHTPSLSSASGSIGPKSADQPGAAAGLHHQQPSSPPTQTIGIPLSPT~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~ETEATSSEHEYYNDLQRELIPLHRN~~~ETTV~~~~~~~~~~~~~~~
17136536.f  ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~AQTLGVGESPIPTQTIGIPVMG~~VPGTMEVKVPMP~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~GSEPTSSDHEYYNDTQRELQPLHRNRNTETRV~~~~~~~~~~~~~~~
17136534.f  ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~AQTLGVGESPIPTQTIGIPVMG~~VPGTMEVKVPMP~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~GSEPTSSDHEYYNDTQRELQPLHRNRNTETRV~~~~~~~~~~~~~~~
8393325.m   ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~GKNGVVKDVFAFGGAVENPEYLVPREGTASPPHPSPAFSPAFDNLYYWDQ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~NSSEQGPPPSNFEGTPTAENPEYLGLDVPV~~~~~~~~~~~~~~~~~
HER2/ErbB2  ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~GKNGVVKDVFAFGGAVENPEYLTPQGGAAPQPHPPPAFSPAFDNLYYWDQ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~DPPERGAPPSTFKGTPTAENPEYLGLDVPV~~~~~~~~~~~~~~~~~
34878948.m  ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~HSNAVSNPEYLN~~~TAQPTCLSSGFDSSALWIQKGSHQMSLDNPDYQQD~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~FFPKEAKPNGIFKG~PTAENAEYLRVAPPSSEFIGA~~~~~~~~~~~
25742617.m  ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~HSNAVSNPEYLN~~~TAQPTCLSSGFDSSALWIQKGSHQMSLDNPDYQQD~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~FFPKEAKPNGIFKG~PTAENAEYLRVAPPSSEFSGA~~~~~~~~~~~
EGFR.h      ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~HSTAVGNPEYLN~~~TVQPTCVNSTFDSPAHWAQKGSHQISLDNPDYQQD~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~FFPKEAKPNGIFKG~STAENAEYLRVAPQSSEFIGA~~~~~~~~~~~
1m14_EGFR   ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~
35903183.d  ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~ALDET~EEEYLNCFKSPAPASVVEYLNTSHTQLLSTKPFFSMDNPDYQQD~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~FCPLELKTHTNGHL~PAAQNQEYMGLEVH~~~~~~~~~~~~~~~~~~
38091005.m  ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~PGSLEELGYEYMDVGSDLSASLGSTQSCPLHPMAIVPSAGTTPDEDYEYMNRRRGAGGSGGDYAAMGACPAAEQGYEEMRAFQGPGHQAPHVRYARLKTLRSLEATDSAFDNPDYWHSRLFPKANAQRI
17432904.m  ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~PGSLEELGYEYMDVGSDLSASLGSTQSCPLHPMAIVPSAGTTPDEDYEYMNRRRGAGGAGGDYAAMGACPAAEQGYEEMRAFQGPGHHAPHVRYARLKTLRSLEATDSAFDNPDYWHSRLFPKANAQRT
HER3/ErbB3  ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~PSSLEELGYEYMDVGSDLSASLGSTQSCPLHPVPIMPTAGTTPDEDYEYMNRQRDGGGPGGDYAAMGACPASEQGYEEMRAFQGPGHQAPHVHYARLKTLRSLEATDSAFDNPDYWHSRLFPKANAQRT
11067415.m  ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~PKAEDEYVNEPLYLN~TFTNALGNAEYMKNS~LLSVPEKAKKAFDNPDYWNHSLPP~~~~~~~RSTLQHPDYLQEYSTKYFYKQNGRIRPIVAENPEYLSEFSLKPGTMLPPPPYRHRNTVV~~~~~~~
HER4/ErbB4  ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~PKAEDEYVNEPLYLN~TFANTLGKAEYLKNN~ILSMPEKAKKAFDNPDYWNHSLPP~~~~~~~RSTLQHPDYLQEYSTKYFYKQNGRIRPIVAENPEYLSEFSLKPGTVLPPPPYRHRNTVV~~~~~~~
1ir3_A      ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~
25146697.w  ~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~GQTELSPSNGDYYNQPNTPSSSSGYYNEPHLKTKKP~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~ETSEEAEAVQYENEEVSQKETCL~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~~
```